

Kostenträger ☐ GKV ☐ PKV ☐ Stationär ☐ ASV

Name, Vorname des Versicherten

geb. am _____ Patienten-Nr. _____

Material-Nr. _____

Probentyp ☐ FFPE Gewebe-Schnitt

☐ DNA

aus ☐ FFPE ☐ Blut ☐ Knochenmark

☐ cfDNA ☐ RNA

Extraktion Tumorzellgehalt _____ % Datum _____

Konzentration _____ ng/µl Volumen _____ µl

Institut

(Stempel, Adresse, Ansprechpartner)

Datum _____

Unterschrift _____

Bemerkungen _____

Diagnose _____

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag:

SOLIDE TUMORE

☐ Aderhautmelanom

BAP1, BRAF, CYSLTR2, EIF1AX, GNA11, GNAQ, KIT, NRAS, PLCB4, SF3B1

☐ Melanom

BRAF, CDKN2A, HRAS, KIT, KRAS, NRAS, MAP2K1, PDGFRA, PIK3CA, TERT

☐ Spitz-Tumor

BAP1, BRAF, CDKN2A, HRAS, KIT, MAP2K1, MAP3K8, NRAS, PTEN, TERT

☐ Bronchialkarzinome

AKT1, ALK, BRAF, CDKN2A, CTNNB1, EGFR, ERBB2, HRAS, KEAP1, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, RET, ROS1, SMAD4, STK11, TP53

☐ inkl. Fusionsanalyse*

* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite

☐ Kolorektales Karzinom

☐ groß: AKT1, APC, BRAF, EGFR, ERBB2, HRAS, KRAS, MAP2K1, NRAS, PIK3CA, POLD1, POLE, TP53

☐ klein: BRAF, ERBB2, HRAS, KRAS, NRAS

☐ Gallenblasen- und Gallengangkarzinom

BRAF, BRCA1, BRCA2, ERBB2, FGFR2, IDH1, IDH2, KRAS, NRAS

☐ inkl. Fusionsanalyse*

* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite

☐ Gastrointestinaler Stromatumor (GIST)

KIT, PDGFRA

☐ Pankreaskarzinom

☐ BRCA-Analyse: BRCA1, BRCA2

☐ Pankreas-Panel: BRAF, BRCA1, BRCA2, ERBB2, KRAS, PALB2, PIK3CA, TP53

☐ Pankreas-Panel (diagnostisch): CDKN2A, CTNNB1, GNAS, KRAS, PIK3CA, SMAD4, TP53, VHL

☐ Mammakarzinom

☐ BRCA-Analyse: BRCA1, BRCA2

☐ Mamma-Panel: AKT1, BRCA1, BRCA2, ERBB2, ESR1, PIK3CA, PTEN

☐ Endometriumkarzinom

BRAF, BRCA1, BRCA2, CTNNB1, KRAS, PIK3CA, POLD1, POLE, PTEN, TP53

☐ Ovarial-, Peritoneal-, Tubenkarzinom

BRCA1, BRCA2

☐ inkl. HRD-Status*

* bei ausreichender Probenqualität ist die Ermittlung des HRD-Status mittels HRD Focus AmoyDX® möglich; siehe Rückseite

☐ Prostatakarzinom

☐ BRCA1, BRCA2, PTEN

☐ ATM

☐ Harnblasenkarzinom

CDKN2A, CTNNB1, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, HRAS, KRAS, NRAS, PIK3CA, SF3B1, TERT, TP53

☐ inkl. Fusionsanalyse*

* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite

☐ Urachuskarzinom

APC, BRAF, EGFR, ERBB2, KIT, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, PTEN, TP53

☐ Schilddrüsenkarzinom

BRAF, EGFR, ERBB2, HRAS, KRAS, MET, NRAS, PIK3CA, RET, STK11, TERT, TP53

☐ Hirntumore

☐ Gliom: BRAF, CDKN2A, CDKN2B, IDH1, IDH2, TERT, TP53

☐ Glioblastom: AKT1, APC, BAP1, BCOR, BRAF, CDKN2A, CDKN2B, CDKN2C, EGFR, FGFR1, GNA11, GNAQ, H3F3A, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MET, NOTCH1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, STAG2, TERT, TP53

☐ Meningiom: AKT1, BAP1, BRAF, CDKN2A, CDKN2B, FGFR3, IDH1, IDH2, MET, NOTCH2, PIK3CA, PTEN, TERT, TP53

☐ CUP-Syndrom

ALK, BRAF, BRCA1, BRCA2, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, HRAS, IDH1, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, ROS1

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag:

HÄMATOPATHOLOGIE

- ☐ **Akute myeloische Leukämie (AML)**
- ☐ groß: *ASXL1, CEBPA, DNMT3A, FLT3, IDH1, IDH2, KIT, NOTCH1, NPM1, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1*
- ☐ klein: *CEBPA, FLT3, IDH1, IDH2, NPM1*
- ☐ **Chronische lymphatische Leukämie (CLL)**
ATM, BCOR, BIRC3, BRAF, BTK, EGR2, FBXW7, KRAS, MYD88, NOTCH1, NRAS, PLCG2, POT1, SAMHD1, SF3B1, TP53, XPO1
- ☐ **Mastozytose**
ASXL1, CBL, EZH2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SF3B1, SRSF2, TET2
- ☐ **Myelodysplastische Neoplasie (MDS)**
ASXL1, BCOR, CBL, DNMT3A, ETV6, EZH2, FLT3, IDH1, IDH2, MLL/KMT2A, KRAS, NPM1, NRAS, RUNX1, SF3B1, SRSF2, TP53, U2AF1
- ☐ **Myeloproliferative Neoplasien (MPN)**
ABL1, ASXL1, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, DNMT3A, EZH2, FLT3, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KIT, KRAS, MPL, NOTCH2, NPM1, NRAS, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1

- ☐ **T-Zell Lymphom**
ABCC9, ARID1A, ATM, BCOR, CARD11, CD28, DNMT3A, FYN, IDH2, JAK1, JAK3, KMT2D, MSC, NCOR1, PLCG1, PTEN, RHOA, SETD1B, SETD2, STAT3, STAT5B, TET2, TP53
- ☐ **Kutanes T-Zell Lymphom**
ARID1A, BCOR, CARD11, CD28, DNMT3A, MSC, NCOR1, PLCG1, RHOA, SETD2, STAT3, STAT5B, TET2, TP53
- ☐ **B-Zell Lymphom**
CARD11, CD79B, CREBBP, CXCR4, EZH2, GNA13, MYD88, PIM1, PRDM1, SOCS1, STAT6, TNFAIP3, TNFRSF14
- ☐ **NK-LGL-Leukämie (NK-LGLL)**
ASXL1, ATM, CCL22, DNMT3A, STAT3, STAT5B, TET2, TNFAIP3

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag:

WEITERE ANFORDERUNGEN

- ☐ **HRD Panel (HRD Focus AmoyDx®)¹**
BRCA1/2, HRD-Status
- ☐ **LymphoTrack® Dx Assay (Invivoscribe)¹**
Klonalitätsanalyse
- ☐ **TruSight™ Oncology 500 High Throughput (Illumina®)**
Analyse von 523 Genen hinsichtlich SNVs, InDels und CNAs und 55 Genen hinsichtlich Fusionen und Spleißvarianten auf RNA-Ebene, 2 genomische Signaturen (TMB, MSI)

- ☐ **Liquid Biopsy¹**
Analyse von ausgewählten Hotspotregionen hinsichtlich SNVs bis zu einer Allelfrequenz von 0,5 %
- ☐ **verfügbare Gene:** *AKT1, BRAF, EGFR, ESR1, HRAS, KRAS, MET, NRAS, PIK3CA, PTEN*
- ☐ **gewünschte Gene:**

¹ außerhalb des akkreditierten Bereichs