PATHONEXT
AUFTRAGSFORMULAR

PathoNext GmbH
Geschäftsführer Prof. Dr. Jörg Gabert
Deutscher Platz 5, 04103 Leipzig

Tel.: +49 341 149 59 61
Fax: + 49 341 149 59 59
E-Mail: info@pathonext.de

Hypovereinsbank
IBAN: DE90 86020086 0024598179
BIC/SWIFT: HYVEDEMM495

Kostenträger ☐ GKV ☐ PKV ☐ Stationär ☐ ASV

Name, Vorname des Versicherten

Geschlecht ☐ m ☐ w ☐ d

geb. am _____ **Patienten-Nr.** _____

Material-Nr. _____

Entnahmedatum Primärprobe _____

Art der Primärprobe _____

Probentyp ☐ FFPE Gewebe-Schnitt
☐ DNA
aus ☐ FFPE ☐ Blut ☐ Knochenmark
☐ cfDNA ☐ RNA

Extraktion Tumorzellgehalt _____ % Datum _____
Konzentration _____ ng/µl Volumen _____ µl

Institut
(Stempel, Adresse, Ansprechpartner)

Datum _____

Unterschrift _____

Bemerkungen _____

Diagnose _____

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag[1]: SOLIDE TUMORE

Anforderungen entsprechend ☐ **DIN EN ISO/IEC 17025**[2] ☐ den Vorgaben der **DIN EN ISO 15189**[3]

☐ Aderhautmelanom
BAP1, BRAF, CYSLTR2, EIF1AX, GNA11, GNAQ, KIT, NRAS, PLCB4, SF3B1

☐ Melanom
BRAF, CDKN2A, HRAS, KIT, KRAS, NRAS, MAP2K1, PDGFRA, PIK3CA, TERT

☐ Spitz-Tumor
BAP1, BRAF, CDKN2A, HRAS, KIT, MAP2K1, MAP3K8, NRAS, PTEN, TERT

☐ Bronchialkarzinome
AKT1, ALK, BRAF, CDKN2A, CTNNB1, EGFR, ERBB2, HRAS, KEAP1, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, RET, ROS1, SMAD4, STK11, TP53
☐ **inkl. Fusionsanalyse***
* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels Onco DEEP Panel oder TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite[3]

☐ Kolorektales Karzinom
AKT1, APC, BRAF, EGFR, ERBB2, HRAS, KRAS, MAP2K1, NRAS, PIK3CA, POLD1, POLE, TP53

☐ Cholangiokarzinom
BRAF, BRCA1, BRCA2, ERBB2, FGFR2, IDH1, IDH2, KRAS, NRAS
☐ **inkl. Fusionsanalyse***
* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels Onco DEEP Panel oder TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite[3]

☐ Gastrointestinaler Stromatumor (GIST)
BRAF, KIT, PDGFRA

☐ Pankreaskarzinom
BRAF, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, CTNNB1, GNAS, ERBB2, KRAS, PALB2, PIK3CA, KRAS, SMAD4, TP53, VHL

☐ Mammakarzinom
AKT1, BRCA1, BRCA2, ERBB2, ESR1, PALB2, PIK3CA, PTEN

☐ Endometriumkarzinom
BRAF, BRCA1, BRCA2, CTNNB1, KRAS, PIK3CA, POLD1, POLE, PTEN, TP53

☐ Ovarial-, Peritoneal-, Tubenkarzinom
BRCA1, BRCA2
☐ **inkl. HRD-Status***
* bei ausreichender Probenqualität ist die Ermittlung des HRD-Status mittels HRD Focus AmoyDX® möglich; siehe Rückseite[3]

☐ Prostatakarzinom
BRCA1, BRCA2, PTEN

☐ Harnblasen- / Urothelkarzinom
CDKN2A, CTNNB1, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, HRAS, KRAS, NRAS, PIK3CA, SF3B1, TERT, TP53
☐ **inkl. Fusionsanalyse***
* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels Onco DEEP Panel oder TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite[3]

☐ Urachuskarzinom
APC, BRAF, EGFR, ERBB2, KIT, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, PTEN, TP53

☐ Schilddrüsenkarzinom
BRAF, EGFR, ERBB2, HRAS, KRAS, MET, NRAS, PIK3CA, RET, STK11, TERT, TP53

☐ Hirntumore
☐ **Gliom:** *BRAF, CDKN2A, CDKN2B, IDH1, IDH2, TERT, TP53*
☐ **Glioblastom:** *AKT1, APC, BAP1, BCOR, BRAF, CDKN2A, CDKN2B, CDKN2C, EGFR, FGFR1, GNA11, GNAQ, H3F3A, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MET, NOTCH1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, STAG2, TERT, TP53*
☐ **Meningiom:** *AKT1, BAP1, BRAF, CDKN2A, CDKN2B, FGFR3, IDH1, IDH2, MET, NOTCH2, PIK3CA, PTEN, TERT, TP53*

☐ CUP-Syndrom / TCM
ALK, BRAF, BRCA1, BRCA2, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, HRAS, IDH1, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, ROS1

[1] Eine individuelle Einschränkung der analysierten Gene kann vorgenommen werden.

[3] Erstakkreditierung derzeit laufendes Verfahren, Bestätigung durch die DAkkS noch ausstehend

Mit der Anforderung dieses Auftrags bestätigt der Einsender, dass die notwendige Aufklärung des Patienten erfolgt ist und dessen schriftliches Einverständnis (gemäß den geltenden gesetzlichen Bestimmungen) vorliegt.

DAkkS Deutsche Akkreditierungsstelle D-PL-20456-01-00

PATHONEXT
AUFTRAGSFORMULAR

PathoNext GmbH
Geschäftsführer Prof. Dr. Jörg Gabert
Deutscher Platz 5, 04103 Leipzig

Tel.: +49 341 149 59 61
Fax: + 49 341 149 59 59
E-Mail: info@pathonext.de

Hypovereinsbank
IBAN: DE90 86020086 0024598179
BIC/SWIFT: HYVEDEMM495

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag: HÄMATOPATHOLOGIE

Anforderungen entsprechend ☐ **DIN EN ISO/IEC 17025**[2] ☐ den Vorgaben der **DIN EN ISO 15189**[3]

☐ **Akute myeloische Leukämie (AML)**
ASXL1, CEBPA, DNMT3A, FLT3, IDH1, IDH2, KIT, NOTCH1, NPM1, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1

☐ **Chronische lymphatische Leukämie (CLL)**
ATM, BCOR, BIRC3, BRAF, BTK, EGR2, FBXW7, KRAS, MYD88, NOTCH1, NRAS, PLCG2, POT1, SAMHD1, SF3B1, TP53, XPO1

☐ **Mastozytose**
ASXL1, CBL, EZH2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SF3B1, SRSF2, TET2

☐ **Myelodysplastische Neoplasie (MDS)**
ASXL1, BCOR, CBL, CEBPA, DNMT3A, ETV6, EZH2, FLT3, IDH1, IDH2, KRAS, MLL/KMT2A, NPM1, NRAS, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TP53, U2AF1

☐ **Myeloproliferative Neoplasien (MPN)**
ABL1, ASXL1, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, DNMT3A, EZH2, FLT3, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KIT, KRAS, MPL, NOTCH2, NPM1, NRAS, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1

☐ **T-Zell Lymphom**
ABCC9, ARID1A, ATM, BCOR, CARD11, CD28, DNMT3A, FYN, IDH2, JAK1, JAK3, KMT2D, MSC, NCOR1, PLCG1, PTEN, RHOA, SETD1B, SETD2, STAT3, STAT6, STAT5B, TET2, TP53

☐ **Kutanes T-Zell Lymphom**
ARID1A, BCOR, CARD11, CD28, DNMT3A, MSC, NCOR1, PLCG1, RHOA, SETD2, STAT3, STAT5B, TET2, TP53

☐ **B-Zell Lymphom**
CARD11, CD79B, CREBBP, CXCR4, EZH2, GNA13, MYD88, PIM1, PRDM1, SOCS1, STAT6, TNFAIP3, TNFRSF14

☐ **NK-LGL-Leukämie (NK-LGLL)**
ASXL1, ATM, CCL22, DNMT3A, STAT3, STAT5B, TET2, TNFAIP3

*Eine individuelle Einschätzung der analysierten Gene kann vorgenommen werden.

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag: WEITERE ANFORDERUNGEN

☐ **HRD Panel (HRD Focus AmoyDx®)**[4]
BRCA1/2, HRD-Status

☐ **LymphoTrack® Dx Assay (Invivoscribe)**[4]
Klonalitätsanalyse

☐ **TruSight™ Oncology 500 High Throughput (Illumina®)**
Analyse von 523 Genen hinsichtlich SNVs, InDels und CNAs und
55 Genen hinsichtlich Fusionen und Spleißvarianten auf RNA-Ebene,
2 genomische Signaturen (TMB, MSI)

☐ **Onco DEEP Panel® (OncoDNA®)**[4]
Analyse von 638 Genen hinsichtlich SNVs, InDels und CNAs und
22 Genen hinsichtlich Fusionen und Spleißvarianten auf RNA-Ebene,
3 genomische Signaturen (TMB, MSI, HRD)

☐ **Liquid Biopsy**[4]
Analyse von ausgewählten Hotspotregionen hinsichtlich SNVs bis zu einer Allelfrequenz von 0,5 %

☐ **verfügbare Gene:** *AKT1, BRAF, EGFR, ESR1, HRAS, KRAS, MET, NRAS, PIK3CA, PTEN*

☐ **gewünschte Gene:**

[4] außerhalb des akkreditierten Bereichs

Rev.8_V2026-10

Mit der Anforderung dieses Auftrags bestätigt der Einsender, dass die notwendige Aufklärung des Patienten erfolgt ist und dessen schriftliches Einverständnis (gemäß den geltenden gesetzlichen Bestimmungen) vorliegt.

[2] DAkkS Deutsche Akkreditierungsstelle D-PL-20456-01-00