

Kostenträger ☐ GKV ☐ PKV ☐ Stationär ☐ ASV

Name, Vorname des Versicherten

Geschlecht ☐ m ☐ w ☐ d

geb. am Patienten-Nr.

Material-Nr.

Entnahmedatum Primärprobe

Art der Primärprobe

Probentyp ☐ FFPE Gewebe-Schnitt

☐ DNA

aus ☐ FFPE ☐ Blut ☐ Knochenmark

☐ cfDNA ☐ RNA

Extraktion Tumorzellgehalt % Datum

Konzentration ng/µl Volumen µl

Institut

(Stempel, Adresse, Ansprechpartner)

Datum

Unterschrift

Bemerkungen

Diagnose

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag¹:

SOLIDE TUMORE

Anforderungen entsprechend ☐ DIN EN ISO 17025² ☐ den Vorgaben der DIN EN ISO 15189³

☐ Aderhautmelanom

BAP1, BRAF, CYSLTR2, EIF1AX, GNA11, GNAQ, KIT, NRAS, PLCB4, SF3B1

☐ Melanom

BRAF, CDKN2A, HRAS, KIT, KRAS, NRAS, MAP2K1, PDGFRA, PIK3CA, TERT

☐ Spitz-Tumor

BAP1, BRAF, CDKN2A, HRAS, KIT, MAP2K1, MAP3K8, NRAS, PTEN, TERT

☐ Bronchialkarzinome

AKT1, ALK, BRAF, CDKN2A, CTNNB1, EGFR, ERBB2, HRAS, KEAP1, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, RET, ROS1, SMAD4, STK11, TP53

☐ inkl. Fusionsanalyse*

* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels Onco DEEP Panel oder TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite³

☐ Kolorektales Karzinom

AKT1, APC, BRAF, EGFR, ERBB2, HRAS, KRAS, MAP2K1, NRAS, PIK3CA, POLD1, POLE, TP53

☐ Cholangiokarzinom

BRAF, BRCA1, BRCA2, ERBB2, FGFR2, IDH1, IDH2, KRAS, NRAS

☐ inkl. Fusionsanalyse*

* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels Onco DEEP Panel oder TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite³

☐ Gastrointestinaler Stromatumor (GIST)

BRAF, KIT, PDGFRA

☐ Pankreaskarzinom

BRAF, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, CTNNB1, GNAS, ERBB2, KRAS, PALB2, PIK3CA, KRAS, SMAD4, TP53, VHL

☐ Mammakarzinom

AKT1, BRCA1, BRCA2, ERBB2, ESR1, PALB2, PIK3CA, PTEN

☐ Endometriumkarzinom

BRAF, BRCA1, BRCA2, CTNNB1, KRAS, PIK3CA, POLD1, POLE, PTEN, TP53

☐ Ovarial-, Peritoneal-, Tubenkarzinom

BRCA1, BRCA2

☐ inkl. HRD-Status*

* bei ausreichender Probenqualität ist die Ermittlung des HRD-Status mittels HRD Focus AmoyDX® möglich; siehe Rückseite³

☐ Prostatakarzinom

BRCA1, BRCA2, PTEN

☐ Harnblasen- / Urothelkarzinom

CDKN2A, CTNNB1, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, HRAS, KRAS, NRAS, PIK3CA, SF3B1, TERT, TP53

☐ inkl. Fusionsanalyse*

* bei guter Probenqualität erweiterte RNA-basierte Fusionsanalyse mittels Onco DEEP Panel oder TruSight™ Oncology 500 High Throughput Panel möglich; siehe Rückseite³

☐ Urachuskarzinom

APC, BRAF, EGFR, ERBB2, KIT, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, PTEN, TP53

☐ Schilddrüsenkarzinom

BRAF, EGFR, ERBB2, HRAS, KRAS, MET, NRAS, PIK3CA, RET, STK11, TERT, TP53

☐ Hirntumore

☐ Gliom: BRAF, CDKN2A, CDKN2B, IDH1, IDH2, TERT, TP53

☐ Glioblastom: AKT1, APC, BAP1, BCOR, BRAF, CDKN2A, CDKN2B, CDKN2C, EGFR, FGFR1, GNA11, GNAQ, H3F3A, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MET, NOTCH1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, STAG2, TERT, TP53

☐ Meningiom: AKT1, BAP1, BRAF, CDKN2A, CDKN2B, FGFR3, IDH1, IDH2, MET, NOTCH2, PIK3CA, PTEN, TERT, TP53

☐ CUP-Syndrom / TCM

ALK, BRAF, BRCA1, BRCA2, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, HRAS, IDH1, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, ROS1

¹ Eine individuelle Einschränkung der analysierten Gene kann vorgenommen werden.

³ Erstakkreditierung derzeit laufendes Verfahren, Bestätigung durch die DAkKS noch ausstehend

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag:

HÄMATOPATHOLOGIE

Anforderungen entsprechend ☐ **DIN EN ISO 17025²** ☐ den Vorgaben der **DIN EN ISO 15189³**

☐ **Akute myeloische Leukämie (AML)**

ASXL1, CEBPA, DNMT3A, FLT3, IDH1, IDH2, KIT, NOTCH1, NPM1, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1

☐ **Chronische lymphatische Leukämie (CLL)**

ATM, BCOR, BIRC3, BRAF, BTK, EGR2, FBXW7, KRAS, MYD88, NOTCH1, NRAS, PLCG2, POT1, SAMHD1, SF3B1, TP53, XPO1

☐ **Mastozytose**

ASXL1, CBL, EZH2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SF3B1, SRSF2, TET2

☐ **Myelodysplastische Neoplasie (MDS)**

ASXL1, BCOR, CBL, CEBPA, DNMT3A, ETV6, EZH2, FLT3, IDH1, IDH2, KRAS, MLL, KMT2A, NPM1, NRAS, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TP53, U2AF1

☐ **Myeloproliferative Neoplasien (MPN)**

ABL1, ASXL1, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, DNMT3A, EZH2, FLT3, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KIT, KRAS, MPL, NOTCH2, NPM1, NRAS, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1

☐ **T-Zell Lymphom**

ABCC9, ARID1A, ATM, BCOR, CARD11, CD28, DNMT3A, FYN, IDH2, JAK1, JAK3, KMT2D, MSC, NCOR1, PLCG1, PTEN, RHOA, SETD1B, SETD2, STAT3, STAT6, STAT5B, TET2, TP53

☐ **Kutanes T-Zell Lymphom**

ARID1A, BCOR, CARD11, CD28, DNMT3A, MSC, NCOR1, PLCG1, RHOA, SETD2, STAT3, STAT5B, TET2, TP53

☐ **B-Zell Lymphom**

CARD11, CD79B, CREBBP, CXCR4, EZH2, GNA13, MYD88, PIM1, PRDM1, SOCS1, STAT6, TNFAIP3, TNFRSF14

☐ **NK-LGL-Leukämie (NK-LGLL)**

ASXL1, ATM, CCL22, DNMT3A, STAT3, STAT5B, TET2, TNFAIP3

*Eine individuelle Einschätzung der analysierten Gene kann vorgenommen werden.

Hiermit gebe ich folgendes NGS-Panel in Auftrag:

WEITERE ANFORDERUNGEN

☐ **HRD Panel (HRD Focus AmoyDx®)⁴**

BRCA1/2, HRD-Status

☐ **LymphoTrack® Dx Assay (Invivoscribe)⁴**

Klonalitätsanalyse

☐ **TruSight™ Oncology 500 High Throughput (Illumina®)**

Analyse von 523 Genen hinsichtlich SNVs, InDels und CNAs und 55 Genen hinsichtlich Fusionen und Spleißvarianten auf RNA-Ebene, 2 genomische Signaturen (TMB, MSI)

☐ **Onco DEEP Panel® (OncoDNA®)⁴**

Analyse von 638 Genen hinsichtlich SNVs, InDels und CNAs und 22 Genen hinsichtlich Fusionen und Spleißvarianten auf RNA-Ebene, 3 genomische Signaturen (TMB, MSI, HRD)

☐ **Liquid Biopsy⁴**

Analyse von ausgewählten Hotspotregionen hinsichtlich SNVs bis zu einer Allelfrequenz von 0,5 %

☐ **verfügbare Gene:** AKT1, BRAF, EGFR, ESR1, HRAS, KRAS, MET, NRAS, PIK3CA, PTEN

☐ **gewünschte Gene:**

⁴ außerhalb des akkreditierten Bereichs